

Sağlık Bilişiminde Biyoistatistik Yöntemler: Kümeleme Yöntemleri

Bölüm 8

Doç. Dr. Dilek ÖZDEMİR GÜNGÖR

İzmir Katip Çelebi Üniversitesi İktisadi ve İdari Bilimler Fakültesi Sağlık Hizmetleri AD.,
dilek.ozdemir.gungor@ikcu.edu.tr

Bu Ünitede Neler Öğreneceksiniz?

- ◆ Nesleler arası benzerliğin nasıl ölçüldüğünü anlayabilme
- ◆ Kümeleme algoritmaları ve uygun kullanım alanlarını ayırt edebilme
- ◆ Hiyerarşik ve hiyerarşik olmayan teknikler arasındaki farkı anlayabilme ve küme sayısına karar verebilme

Hedefler

- ◆ Kümeleme analizi uygulayabilme
- ◆ Sonuçları yorumlayabilme.





KAYNAKLAR

1. Klyuchko OM. Cluster Analysis in Biotechnology. *Biotechnol Acta.*, 10 (5) ,5-18. Doi:10.15407/biotech10.05.005
2. Caruso G, Gattone SA, Fortuna F, Di Battista T. (2017,) Cluster Analysis as a Decision-Making Tool: A Methodological Review. *International symposium on distributed computing and artificial intelligence*, 21-23 June, Porto, (pp.48-55).
3. Hair JF, Anderson RE, Tatham RL, Black WC. (1995) *Multivariate Data Analysis with Readings* (Fourth edit). NJ:Prentice-Hall.
4. Abu-Jamous B, Fa R, Nandi AK. (2015) *Integrative Cluster Analysis in Bioinformatics*. Pondicherry: John Wiley & Sons.
5. Simovici AD, Djeraba C. (2008) *Advanced Information and Knowledge Processing: Mathematical Tools for Data Mining* (Second edit). London:Springer.
6. Kassambara A (2017). *Practical Guide to Cluster Analysis in R*. (First edit). STHDA.
7. Ly A, Derks K, Veenman M. Clustering in R | Beginner's Guide to Clustering in R. Published 2019. Accessed September 6, 2021. <https://www.analyticsvidhya.com/blog/2021/04/beginners-guide-to-clustering-in-r-program/>